

FICHE PRODUIT : CHIP-SEQ

1 Protocoles de préparation de bibliothèques et options de séquençage proposés

1.1 Protocoles de préparation de bibliothèques

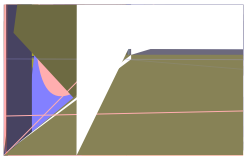
#	Kit utilisé par la plateforme	Quantité de chromatine	
		Minimale	Optimale

1.2 Options de séquençage

Projet	Recommandations	
	Type de séquençage	Taille de lecture

1.3 Plan d'expérience

Recommandations pour le design de l'expérience	
	contrôle négatif



Microarray and sequencing platform

GenomEast Platform
CERBM GIE – IGBMC
1 rue Laurent Fries
67404 Illkirch Cedex
France

+33 3 88 65 34 26
tibault@igbmc.fr
jost@igbmc.fr
genomeast.igbmc.fr

	- - - -

2 Services proposés

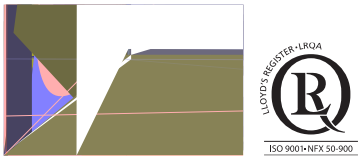
-
-
-
-
-
-
-

Recommandations pour la préparation des échantillons	

Caractéristiques de l'ADN à fournir	
<i>documents</i>	obligatoirement <i>share</i>
	Une purification additionnelle, utilisant les billes Agencourt AMPure XP (Beckman Coulter), est indispensable avant quantification
	<i>low binding</i>

4 Contrôles qualité réalisés par la plateforme

1. Vérification des échantillons	
2. Préparation des librairies	
3. Séquençage et analyse primaire des données	



Microarray and sequencing platform

GenomEast Platform
CERBM GIE – IGBMC
1 rue Laurent Fries
67404 Illkirch Cedex
France

+33 3 88 65 34 26
thibault@igbmc.fr
jost@igbmc.fr
genomeast.igbmc.fr

--	--

5 Livraison des résultats par la plateforme

-
-
-
-
-

Conformément aux « Conditions Générales de la Plateforme GenomEast », il est rappelé que le porteur du projet est responsable de la sauvegarde et de l'archivage de ses données. La plateforme ne s'engage à les conserver que sur une durée limitée de six mois après leur mise à disposition.

6 Analyse ultérieure des données (optionnelle)

-
-
-
-